

Actividades en el marco de la Membresía Asociada de la Argentina al Laboratorio Europeo de Biología Molecular [EMBL]

Convocatoria para capacitación sobre bioinformática Instituto Europeo de Bioinformática [EBI]

30 de septiembre y 1º de octubre de 2014
Universidad Nacional de San Martín [UNSAM]
Buenos Aires, Argentina

Organizadores
Fernán Agüero [UNSAM]
Sarah Morgan [EMBL-EBI]

Asistencia administrativa
Rebecca Greenhaff

Generalidades del taller

Este taller ofrecerá a los participantes un panorama sobre el EMBL- Instituto Europeo de Bioinformática [EBI, por sus siglas en inglés] y sus herramientas de datos y recursos, abarcando todo el espectro de las ciencias biológicas y ciencias de la vida. Se desarrollarán sesiones prácticas destinadas a tratar las temáticas de alineación y búsqueda de secuencias, utilizando los recursos basados en la genómica funcional, la identificación de proteínas e interacciones entre estas.

Participantes

El taller está dirigido a investigadores de doctorado y post-doctorado que trabajen en universidades y centros de investigación, desarrollo e innovación de Argentina, y que deseen utilizar los recursos del EMBL-EBI en su trabajo. No se requiere experiencia previa en el área de bioinformática. No obstante, se recomienda poseer conocimientos en biología de nivel de pregrado.

Módulos y recursos

Durante este taller los participantes aprenderán sobre:

- Recursos del EMBL-EBI y búsqueda de EBI.
- Búsqueda y alineación de secuencia.
- Expresión de matriz y atlas de expresión.
- Función y clasificación de las proteínas.
- Interacciones y vías.

Objetivos de aprendizaje

Después de este taller los participantes habrán logrado adquirir los conocimientos para:

- Examinar las herramientas y los recursos de datos en el EMBL-EBI.
- Realizar búsquedas de secuencia y múltiples alineaciones.
- Explorar datos y buscar información utilizando el atlas de expresión.
- Navegar las bases de datos UniProtKB y InterPro para determinar información sobre proteínas.
- Investigar las interacciones moleculares utilizando IntAct y explorar las reacciones y vías utilizando Reactome.

HORA	TEMA	CAPACITADOR
DÍA 1		
09:30 h	Introducción al EMBL-EBI	Sandra Orchard / Amy Tang
09:45 h	Búsqueda EBI & Europe PubMed Central	Andrew Cowley
10:30 h	Pausa	
11:00 h	Introducción a la búsqueda de secuencias	Andrew Cowley
12:30 h	Almuerzo	
13:30 h	Introducción a la búsqueda de secuencias	Andrew Cowley
14:30 h	Pausa	
15:00 h	Expresión de matriz	Amy Tang
16:00 h	Pausa	
16:15 h	Expresión atlas	Amy Tang
18:00 h	Fin del primer día	
DÍA 2		
9:30 h	Función de la proteína y clasificación	Sandra Orchard
10:30 h	Pausa	
11:00 h	Función de la proteína y clasificación	Sandra Orchard
13:00 h	Almuerzo	
14:00 h	Interacciones y vías	Sandra Orchard
15:00 h	Pausa	
15:30 h	Interacciones y vías	Sandra Orchard
17:30 h	Conclusión del taller	Sandra Orchard

Participación e inscripción

La modalidad es de presentación abierta con selección (hasta 30 participantes de doctorado y posdoctorado que trabajen en Argentina solamente). La audiencia se restringirá a los beneficiarios de la convocatoria del Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva para la presentación de solicitudes de universidades y centros de investigación, desarrollo e innovación [I+D+i]. Los beneficiarios serán inscriptos automáticamente.